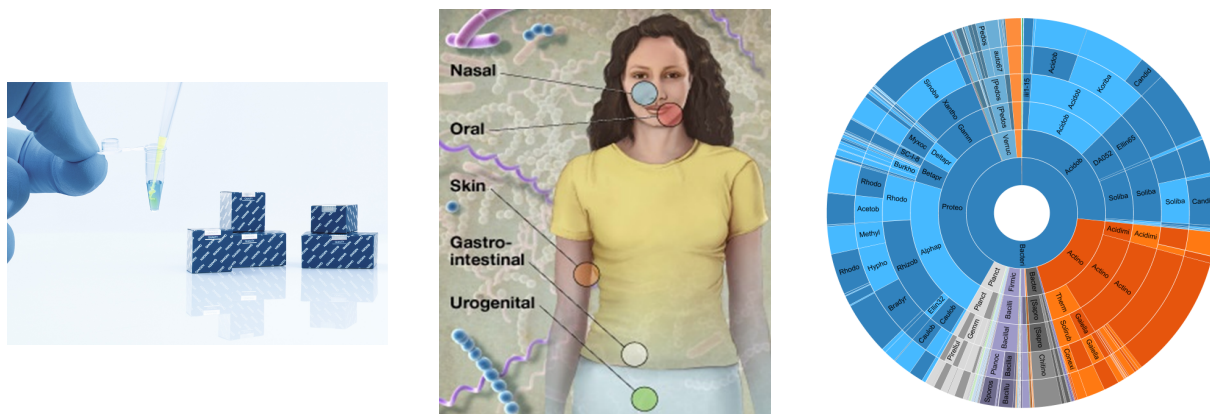


ATGTGATTGCGTGACTGCTGAGGTCGTAAGCTAGCTCGTAGCATAGATGACCTAGTCCGTA

次世代シーケンス セミナー

～核酸精製からデータ解析まで～
第二回 微生物・マイクロバイーム解析

ATGTGATTGCCTGAGGTCGTAAGCTAGCTCGTAGCATAGATGACCAGTAGTCATAGTCCGTA



先月よりキアゲンから講師を招き、様々な次世代シーケンスのアプリケーションの中から個々の解析に焦点を当てたセミナーを、全三回予定のシリーズとして開催しております。

第二回のセミナーでは、主に微生物・マイクロバイームのDNAジェノタイピング解析における全体のワークフロー、核酸精製時に注意すること、NGSラン前に必要なプロセス、データ解析概要について、実例を踏まえて説明を致します。

- **日時** 平成29年2月28日（火） 13：30～15：00
- **内容** 微生物・マイクロバイーム解析
(*de novo*, 16S rRNA, メタゲノム解析など)
- **場所** 分子医学部門棟 2階 セミナー室

※申込は不要です

【今後の予定】

3月下旬：第三回 発現解析 (RNA-Seq解析)



協力：株式会社キアゲン
担当：東日本営業部 安積 直人

【問合せ先】

秋田大学バイオサイエンス教育・研究サポートセンター 分子医学部門

担当：幸丸・東谷（内線 6191）

HP：<http://www.med.akita-u.ac.jp/~kiki/>

